**ZÁRÓVIZSGA TÉTELEK**

**2018. JÚNIUS**

**INFO-BIONIKA MÉRNÖKI MSC SZAK**

**I. tételcsoport**

***Informatika***

*Közelítő és szimbolikus számítások haladóknak*

1. Ortogonális transzformációk használata a lineáris algebra numerikus módszereiben (ortogonális-trianguláris felbontások, speciális alakra transzformálás, QR-algoritmus).
2. Folytonos függvények közelítései (spline- és trigonometrikus interpoláció, négyzetes és egyenletesen legjobb közelítések).

*Neurális áramkörök elmélete és alkalmazása*

1. Többrétegű perceptron hálózat tanítása, a hiba-visszaterjesztés (back-propagation) módszere.
2. Celluláris Neurális Hálózatok felépítése, peremfeltételek, stabilitás, diszkretizálás explicit Euler formulával. A CNN-UM és megvalósítási lehetőségei.

*Digitális képfeldolgozás*

1. Simítás/szűrés képtérben (átlagoló szűrők, Gauss simítás és mediánszűrés); élek detektálása (gradiens-operátorokkal és Marr-Hildreth módszerrel).
2. Alakreprezentáció, határ- és régió-alapú alakleíró jellemzők, Fourier leírás.

*FPGA alapú rendszerek tervezése*

1. FPGA architektúra általános felépítése, a három fő részegység (programozható logikai blokk, programozható összeköttetés hálózat, programozható I/O blokk) felépítése, megvalósítási módjai. A Xilinx FPGA család: Virtex, Virtex-II, Virtex-4, Virtex-5, Virtex-6, Virtex-7, Kintex-7, Artix-7, Spartan-6, Zync.
2. A Xilinx rendszertervezés lépései. A VHDL programozási nyelv: nyelvi elemek és konvenciók, entitás és architektúra deklaráció, típus deklarációk, altípusok, attribútumok, szabványos adattípusok, operátorok, tervezői könyvtárak, konstansok, változók, jelek, példányosítás, egyidejű és szekvenciális jelhozzárendelések, nem kívánt memória problémája, strukturális és viselkedési modellek, szekvenciális hálózatok megvalósítása, állapotgépek.
3. FPGA alapú beágyazott rendszerek: Xilinx Platform Studio (EDK/SDK), FPGA alapú beágyazott rendszerek tervezésének főbb lépései, MicroBlaze processzor mag, alkalmazható busz típusok: PLB busz, AXI interface, LMB busz, FSL, XCL.

*Rendszerfejlesztés*

1. Szoftverfejlesztési folyamat és elemei; a folyamat különböző modelljei. Projektmenedzsment.

*Adatbányászat*

1. Adatreprezentáció, mérési skálák, dimenziócsökkentő eljárások, jellemzőszelekció.
2. Gyakori elemhalmazok, asszociációs szabályok kinyerése. A priori elv. FP-fák.
3. Webes adatbányászat: (perszonalizált) PageRank, Hubs and Authorities algoritmusok és az információvisszakeresés alapfogalmai.

*Mikroszkópiai képelemzés*

1. Fluoreszcens mikroszkópia általános képalkotási problémái és az ezekre használt előfeldolgozási megoldások.
2. Sejtmag detektálás fluoreszcens mikroszkópiával: Probléma bemutatása, nehézségek ismertetése és lehetséges számítási megoldási lehetőségeik.

*Nem konvencionális adatbázisok*

1. Térbeli adatbázisok (tisztán relációs, objektum-relációs és térbeli adatokon alapuló megoldások, térbeli indexek). Időbeli adatbázisok. Az Oracle térbeliséget és időbeliséget támogató megoldásai.
2. Multimédiás adatbázisok. Képi tartalom alapú keresés. NoSQL adatbázisok (konzisztencia, skálázhatóság, a CAP tétel és következményei, replikáció). Kulcs-érték tárolók, dokumentumtárolók, oszlopcsaládok, gráfadatbázisok. Az Oracle multimédiás és NoSQL lehetőségei.

*Orvosi képalkotás*

1. Röntgen készülék, lineáris gyengülési együttható, CT (kollimátor, kompenzátor, referencia detektor), szinogram, rekonstrukció.
2. Anger kamera, kalibrációk (PMZ, energia, linearitás, homogenitás). SPECT, korrekciók, metszetek.
3. Mágneses rezonancia készülék. Gradiens mágneses mező, metszet kiválasztás, 90-FID, spin-echo, inverziós szekvencia. frekvencia és fázis kódolás. Spin sűrűség, T1, T2 kép.

**II. tételcsoport**

***Matematika***

*Analizis*

1. Cauchy tétel; izolált szingularitások; reziduum tétel.
2. Lebesgue-féle monoton konvergencia tétel; integrálható függvények tere; Lebesgue-féle domináns konvergencia tétel.

*Biostatisztika*

1. A statisztikai minta fogalma. A várható érték és a szórás pontbecslése, a becslések tulajdonságai. Konfidenciaintervallum a normális eloszlás várható értékére ismert illetve ismeretlen szórás esetén. A lineáris regresszió és a legkisebb négyzetek módszere.
2. A hipotézisvizsgálat elemei: nullhipotézis és ellenhipotézis, próbastatisztika és kritikus érték, első- és másodfajú hiba, erő. Paraméteres próbák a normális eloszlás várható értékének a tesztelésére. Függetlenségtesztek.

***Fizika***

*Optikai mikroszkópia*

1. Kivilágítási és detektálási módok az optikai mikroszkópiában (Normál, Köhler, konfokális, TIRF, EPI)
2. Nagyfeloldású optikai mikroszkópia (STED, STORM, SIM)

***Kémia***

*Bioszerves kémia*

1. Szénhidrátok szerkezete és kémiai tulajdonságaik.
2. Peptidek és fehérjék szintézise és szerkezeti sajátságaik.

*Szupramolekuláris és önszervező rendszerek*

1. A molekuláris felismerés, a szupramolekuláris/önszerveződő rendszerek alapjai (meghatározó kölcsönhatások és tényezők, feltételek és jellemzők, kémiai/biológiai példák).
2. A szupramolekuláris rendszerek alkalmazása (katalízis, molekuláris eszközök, gépek).

*Analitikai szenzorok*

1. Elektrokémiai szenzorok jellemzői és alkalmazási lehetőségei.
2. Optokémiai szenzorok jellemzői és alkalmazási lehetőségei.

*Számítógépes biokémia*

1. Elektronszerkezet számító módszerek (HF, MP2, CI, CC és DFT).
2. A kvázi-klasszikus reakciódinamika alapjai (kezdeti feltételek, reakcióvalószínűség és hatáskeresztmetszet).

***Biológia***

*Rekombináns DNS technikák*

1. DNS szerkezet és funkció vizsgálati módszerek áttekintése: DNS fragmentálás és méretmeghatározás, nukleotid szekvencia meghatározás klasszikus és új generációs módszerek, génműködés vizsgálat riporter gének alkalmazásával.
2. Genetikailag módosított élőlények előállításának módszerei: génkönyvtárak létrehozása baktériumokban, vektorok típusai, genom és cDNS klónok előállítása. Magasabbrendűek genetikai módosításának lehetőségei, genom szerkesztés.

*Intercelluláris szignalizáció*

1. A szignál traszdukcióban közreműködő molekulák típusai és általános jellemzőik. Jelmolekulák és receptorok típusai. Az intracelluláris jelutak általános jellemzése. Intracelluláris receptorok. G fehérjék, fehérje foszforiláció, adaptor fehérjék közreműködése jelátviteli utakban.
2. A legfontosabb jelátviteli utak jellemzői: G-fehérjéhez kapcsolódó jelátviteli utak, Receptor tirozin kináz és citokin jelátviteli utak. Másodlagos jelátvivők. Jel amplifikáció.

*Bioinformatika*

1. Makromolekulák primer szerkezetének összehasonlítása bioinformatikai módszerekkel. Többszörös illesztés (Multiple Alignment). Illesztési módszerek és összehasonlításuk. Illesztésekből levonható következtetések
2. Fehérje szerkezetek összehasonlítása illlesztéses módszerekkel. Fehérjék funkciójának szekvencia-alapú előrejelzése